



**Join us in exploring the exciting world of RNA using microarrays.**

**Aula del Edificio SACE. Campus de Espinardo (Universidad de Murcia)**

**Martes 14 de Noviembre de 2017 10:30h –12:30h**

**PROGRAMA:**

**10:30 – 11:20**

Cómo extraer lo mejor del transcriptoma con la tecnología de microarrays: miRNA, mRNA, splicing alternativo y lncRNA. Análisis e integración de datos con TAC: Transcriptome Analysis Console.

Elena Aller, Ph.D. Field Application Specialist Microarray analysis, Thermo Fisher Scientific

**11:20 - 12:10**

Cómo identificar CNV a nivel de genoma completo, incluso en muestras parafinadas y cfDNA.

Raquel de la Guerra ,PhD Sr Clinical Product Specialist , Thermo Fisher Scientific

**IMPORTANTE:** Por favor, confirme su asistencia al seminario enviando una nota a uno de los siguientes correos electrónicos:

majoloan@um.es

julia.llorca@thermofisher.com

**ThermoFisher**  
SCIENTIFIC



Sección de Biología Molecular-SAI  
Vicerrectorado de Investigación  
Universidad de Murcia