

Expresión: análisis de transcriptoma completo y nuevos diseños de microarrays

Agenda del evento:

1. Nuevos diseños de microarrays de expresión y análisis de transcriptoma completo
 - Análisis de muestras difíciles
 - Análisis de mRNA, splicing alternativo, miRNA y RNA no codificante con el software TAC
 - Estudios de RNA: arrays vs NGS

Fecha:

Viernes 18 de noviembre de 10.00h a 11.00h

Registro:

https://teams.microsoft.com/registration/LXJ9toqqdoehaevremo7Zw,S_JT1JoxBUGfr8zTdUqh9A,su3oMvsVtkONuRDuEWQa3Q,ttxOml4GOoqJ3YLu4t3UtA,6oltzoQHQEGG9NSTkHLWKA,6M2AOyvOZkGr3bXZ1kOTFA?mode=read&tenantId=b67d722d-aa8a-4777-a169-eb7a6a3b67